

Результаты исследований

 Пациент
 Пол женский Возраст 25

 Заказ
 Д.п.м.

Показатель Результат Референсный интервал

Молекулярно-генетические исследования

[00357] Полиморфизм генов преэклампсии и сосудистого тонуса. Предрасположенность к гипертоническим состояниям, нарушениям плацентарной функции, преэклампсии, инфаркту миокарда - буккальный эпителий

Гены ренин-ангиотензин-альдостероновой системы (РААС)

Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр
ACE	Ангиотензин-превращающий фермент (АПФ)	I/D (rs1799752)	Intron16	D/D	3

Ангиотензин-превращающий фермент (АСЕ) является ферментом, превращающим ангиотензин І в ангиотензин ІІ – одно из самых мощных биологически активных веществ, повышающих артериальное давление.

Одним из наиболее изученных полиморфизмов, играющих роль в развитии инфаркта миокарда и других сосудистых нарушений является полиморфизм гена АСЕ, заключающийся в наличии (инсерция, обозначается буквой I) или отсутствии (делеции, обозначается буквой D) Alu-вставки длиной 287 пар оснований в интроне 16. Этот полиморфизм обычно обозначается кодом Alu I/D. Таким образом, возможны три варианта генотипа: II, ID и DD. Носители аллеля D имеют более высокие уровни активности АСЕ плазмы, в сердечной мышце и в тканях и таким образом, имеют более высокие уровни ангиотензина II.

Генотип DD обнаруживается у 28-31% людей, попадающих в группу риска развития ишемической болезни сердца, инфаркта миокарда, постинфарктных осложнений, инсулинорезистентности и сахарного диабета, артериальной гипертензии, осложнений беременности.

При беременности наличие аллеля D ассоциировано с развитием тяжелых осложнений беременности – преэклампсии, задержки роста плода, невынашивания беременности.

Частота аллелей: I=0,52, D=0,48

Ориентация цепи: плюс

Синонимы: ACE INS/DEL, rs4340 (устар.), rs13447447 (устар.)

AGT Ангиотензиноген T+704C (rs699) Met235Thr T/T 1

Ген AGT располагается на длинном плече 1-й хромосомы (1q42-43) и состоит из пяти экзонов и четырех интронов.

Полиморфизм представляет собой замену тимина на цитозин в позиции +704 гена ангиотензиногена, в результате которой происходит замена метионина на треонин в молекуле белка.

Полиморфизм ассоциирован с риском гипертонической болезни и инфаркта миокарда.

В акушерстве носительство аллеля C (генотипы C/C, T/C) резко повышает риск преэклампсии. Особенно важно оценить сочетание полиморфизмов AGT и ACF

Частота аллелей: Т=0,52

Ориентация цепи: минус

Синонимы: rs17856353, rs3182295, rs386606420, rs4714, rs61617185, A>G (по плюсовой цепи)

CYP11B2	Альдостерон-синтетаза	-344T/C (rs1799998)	Promoter	T/T	1
---------	-----------------------	------------------------	----------	-----	---

Альдостерон-синтетаза катализирует последнюю стадию синтеза альдостерона – гормона коры надпочечников, одного из важных участников прямых и обратных связей ренин-альдостероновой системы.

Наличие аллеля C связано с повышением синтеза альдостерона, тем самым повышается риск гипертонии, особенно в гомозиготной форме CC. При беременности полиморфизм ассоциирован с повышенным риском гипертензивных осложнений беременности, и следовательно — с риском фетоплацентарной недостаточности.

Частота аллелей: T=0.57
Ориентация цепи: минус

Синонимы: А>G (плюсовая цепь)

Факторы риска сердечно-сосудистых заболеваний

Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр
PTGS2 (COX2)	Простагландин-эндопероксид синтаза 2 (Циклооксигеназа-2)	C-765G (rs20417)	Promoter	C/C	1

rs20417, также известный как -765G>C (и -899G> С в некоторых более ранних публикациях), представляет собой однонуклеотидную замену в гене PTGS2 эндопероксидазы синтазы 2 простагландина (циклооксигеназы-2) в хромосоме 1.

Полиморфизм ассоциирован с повышенной активностью тромбоцитов, неудачами имплантации, развитием преэклампсии.

Частота аллелей: C=0.8021 Ориентация цепи: минус

Синонимы: -899G>C, c.765, G>C (по плюсовой цепи)

Гоны	модулирующие	паботу	PAAC
тены.	модулирующие	Dabbiv	FAAU

-1	i onen, mogginipi	10 His bass, 17818					
	Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр	
	ADD1	Аддуцин	G/T (rs4961)	Gly460Trp	G/G	1	

Заказ Д.п.м.

Показатель Результат Референсный интервал

с-аддуцин (альфа-аддуцин) — белок, входящий в состав клеточной мембраны и участвующий в транспорте ионов натрия в клетках почечных канальцев. Замена G на T в 1378-м положении гена приводит к замене в аминокислотной последовательности глицина на триптофан в положении 460. Наличие аллеля Т (варианты G/T, T/T) ассоциировано с более высокой чувствительностью к изменениям натриевого баланса, а именно задержке натрия, что приводит (особенно при диете, богатой солью) к повышению риска артериальной гипертензии в 1,8 раза. Анализ может показывать генетическую предрасположенность к солечувствительной форме гипертензии.

Носители аллеля Т показывают значительно сниженный риск инсульта и инфаркта при терапии тиазидными диуретиками.

Частота аллелей: G=0,82, T=0,18

Ориентация цепи: плюс

Синонимы: rs113752720, rs52823896, rs61347248, c.1378

AGTR1 Рецептор I типа ангиотензина II A/C (rs5186) A1166C A/A 1

Ангиотензин II взаимодействует с двумя клеточными рецепторами ангиотензина 1-го и 2-го типов. Ген AGTR1 кодирует рецептор 1-го типа. Замена аденина (A) на цитозин (C) в позиции 1166 в регуляторной области гена приводит к усилению его экспрессии и повышению чувствительности рецептора к ангиотензину II.

Аллель С сочетается с гипертонией, ИБС, а также с резистентностью к антигипертензивной терапии. У гетерозигот А/С риск гипертонии повышается в 1,4 раза, а у гомозигот С/С – в 7,3 раза.

У беременных повышается риск преэклампсии и других осложнений беременности.

Частота аллелей: С=0,21

Синонимы: rs17231380, rs3192044, rs3732563, rs386597902, rs59796105

AGTR2 Рецептор II типа ангиотензина II A/G (rs1403543) G1675A A/A 3*

Ген AGT2R кодирует рецептор 2-го типа ангиотензина II и находится на X-хромосоме

Данный полиморфизм заключается в точечной замене гуанина на аденин в позиции 1675 гена рецептора ангиотензина II второго типа (AGT2R). Обозначается как G1675A.

Фактором риска является аллель А. При наличии варианта А отмечается повышенная чувствительность AGT2R к ангиотензину II.

Вариант А сочетается с повышением риска ишемической болезни сердца и осложнений беременности.

Гомозиготный вариант А/А является самостоятельным фактором риска, предрасполагающим к преэклампсии во время беременности.

Частота аллелей: А=0.52

Ориентация цепи: плюс

Синонимы: rs58556671, rs17231387, rs17223457, rs3736555

* фактором риска является более частый аллель А.

Гены нарушения вазодилатации

İ	Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр	
	ESR1	Рецептор эстрогена альфа	A/G (rs9340799)	-351A>G	A/G	2	

Эстрогены являются стероидными гормонами, синтезируемыми в яичниках, плаценте, коре надпочечников и в других тканях, и секретируемыми в кровь. Они играют важную роль во время беременности, в т.ч. в подготовке эндометрия для имплантации зародыша.

Ген ESR1 кодирует рецептор эстрогена ESR1 (ER-a) и локализуется на 6-й хромосоме в области q25.1. Полиморфизм гена ESR1 -351A>G (rs9340799),

определяемый рестриктазой Xbal, локализован в интроне I и приводит к снижению выработки рецептора эстрогена ESR1.

Носительство аллеля G может приводить к репродуктивным нарушениям и акушерским осложнениям, неудачным протоколам ЭКО, повышению риска невынашивания беременности. Наличие аллеля G связывают с риском развития остеопороза.

Частота аллелей: G=0.31

Ориентация цепи: плюс Синонимы: с.453-351

ESR1 Рецептор эстрогена альфа T/C (rs2234693) -397T>C T/C 2

Ген ESR1 кодирует рецептор эстрогена ESR1 (ER-α) и локализуется на 6-й хромосоме в области q25.1.

Полиморфизм ESR1 -397C>T (rs2234693), определяемый при расщеплении участка рестриктазой Pvull, локализован в некодирующей области гена (интроне I) и приводит к снижению выработки рецептора эстрогена ESR1.

Наличие аллеля С может приводить к повышению риска невынашивания беременности, преэклампсии других осложнений беременности. Также есть данные о связи полиморфизма -397T>C (Pvull) с предрасположенностью женщин к эндометриозу.

У мужчин наличие аллеля С связывают со сниженной подвижностью сперматозоидов и нарушения работы гормонов.

Частота аллелей: C=0.47 Ориентация цепи: плюс

Синонимы: с.453-397 Т>С

NOS3	Синтаза оксида азота NOS3	-7861/C (rs2070744)	T/C	2	
------	---------------------------	------------------------	-----	---	--

Полиморфизм находится в промоторной области. Наличие неблагоприятного аллеля С ассоциировано с риском атеросклероза, инфарктом миокарда и спазмом коронарной артерии, а при беременности – с риском преэклампсии и других акушерских осложнений.

Доказана также связь этого варианта с риском развития ревматоидного артрита и прогрессированием рака предстательной железы, однако наличие мутации не является причиной его возникновения.

Частота аллелей: C=0.29
Ориентация цепи: плюс

Синонимы: с.-813Т>С

Д.п.м.

Показатель		Рез	ультат	Референсный интервал		
NOS3	Синтаза оксида азота NOS3		G894T (rs1799983)	Glu298Asp	G/G	1

Синтаза оксида азота 3 эндотелиальных клеток участвует в синтезе оксида азота (NO) эндотелием, то есть в регуляции сосудистого тонуса, кровотока и артериального давления.

Замена в нуклеотидной последовательности G на T в 894-м положении приводит к замене в аминокислотной последовательности глутамина на аспарагин в 298-й позиции. В результате чего снижается концентрация оксида азота.

Наличие неблагоприятного аллеля T связывают с повышенным риском развития артериальной гипертонии, ИБС, инфаркта миокарда, различных нарушений проводимости сердца. Также аллель T ассоциирован с риском развития болезни Альцгеймера.

Полиморфизм NOS3 G894T связывают с риском отслоения плаценты и развития гипертонии во время беременности.

Частота аллелей: Т=0.24

Ориентация цепи: плюс

Синонимы: с.894

NOS3 Синтаза оксида азота NOS3 VNTR 4b/4a (rs61722009) Intron4 4b/4a 2

Ген NOS3 расположен в четвёртом интроне гена фермента эндотелиальной синтазы окиси азота 3 (nitric oxide synthase 3). Функцией этого фермента является выработка оксида азота (NO).

Полиморфизм представляет собой наличие повторов VNTR в гене. Вариант 4a означает 4, a 4b - 5 повторов нуклеотидных последовательностей в гене NOS3.

Носительство более редкого аллеля 4a (и генотипа 4a/4a) является фактором повышенного риска развития атеросклероза, ишемической болезни сердца и инфаркта миокарда, а также сосудистых осложнений при сахарном диабете типа 1 и 2.

Частота: 4b = 0,8

Шифр: 1 - гомозигота частый аллель, 2 - гетерозигота, 3 - гомозигота редкий аллель

Результаты исследований не являются диагнозом и интерпретируются лечащим врачом с учетом всех данных о пациенте (лабораторных, инструментальных и клинических).

Записаться на приём к врачу: cironline.ru



Врач КДЛ: Аряева Д.А., Печёрина Е.Ю.